

Initiation au logiciel de gestion de bases de données « Serena 2 »

1er juin 2017 / Rostrenen

Exercices corrigés



ASSOCIATION
des Gestionnaires
d'Espaces Naturels
Bretons

Développée par Pierre Girard pour Réserves Naturelles de France (RNF), Serena n'est pas une base de données mais une application permettant de créer et gérer facilement une ou plusieurs bases de données faune - flore au format .mdb soit le format utilisé par l'application MS Access. Depuis 2015, une nouvelle version du logiciel est disponible : Serena 2. Accueillis dans les locaux de l'Association de Mise en Valeur des sites naturels de Glomel à Rostrenen, 9 gestionnaires se sont vus expliquer les fonctions de base du logiciel par la chargée de mission de l'Association des gestionnaires d'espaces naturels bretons.


1 / Créer une base

* Initialiser la base :

Initialiser une nouvelle base > Access mdb > base embryon

* Charger deux lots de données absents à l'ouverture :

- (1) espaces protégés
- (2) communes

(1) Module OUTILS  > Importer des données > serdat-communes.txt > Communes à importer : 56
(pour la suite des exercices)




(2) Module OUTILS  > Importer des données > serdat-reserves_naturelles.txt




2 / Créer des sources

Créer les sources suivantes :

- Lefebvre Karen
- Meunier Nicole
- Micheau Anaël


- Lefebvre Karen & Meunier Nicole
- Lefebvre Karen & Micheau Anaël
- Meunier Nicole & Micheau Anaël
- Lefebvre Karen, Meunier Nicole & Micheau Anaël

Pour les individuels : Module SOURCES  > ajouter  > Catégorie : Personnel Organisme > Type : Individuel/Société > Indiquer au minimum nom et prénom > valider 


Pour les équipes : Module SOURCES  > ajouter  > Catégorie : Personnel Organisme > Type : Collectif/Equipe > Créer ou modifier l'équipe ou la liste des auteurs > faire glisser les noms des membres de l'équipe du bloc 1 vers le bloc 2 > OK > valider 

3/ Créer des sites

Créer les sites suivants avec l'arborescence indiquée : Commune de Monteneuf > RNR Landes de Monteneuf > Secteur 1 > Mare 1 du Secteur 1 :

Pour la commune : Module CARTOGRAPHIE  > Mettre en mémoire une (multi)ligne contenue dans > un fichier shapefile existant > SerenaSIG > communes_osm_20160119 > ouvrir > Multi-ligne à sélectionner : Monteneuf > centrer la carte sur les lignes à afficher (non) > mettre la ligne en mémoire > passer au




Module SITES  > ajouter  > **Site** : Type : Commune / Nom : Monteneuf > **Espace protégé** : Hors espace protégé > **Commune** : Monteneuf (56 136) > importer la ligne en mémoire  > valider 

Pour la RNR : Module CARTOGRAPHIE  > Mettre en mémoire une (multi)ligne contenue dans > un fichier shapefile existant > SerenaSIG > rnc_rnn_rnr > N_ENP_RNR_S_000 > ouvrir > Multi-ligne à sélectionner : Monteneuf > glisser vers le site à afficher (non) > mettre la ligne en mémoire > passer au



Module SITES  > ajouter  > **Site** : Type : Site d'inventaire / Nom : RNR Landes de Monteneuf > **Inclus dans** : Type : Commune / Nom : Monteneuf > **Espace protégé** : LANDES DE MONTENEUF >

Commune : Monteneuf > importer la ligne en mémoire  > valider 

Pour le Secteur 1 : Module CARTOGRAPHIE  > tracer une parcelle peu importe où dans l'emprise de la

RNR  > mettre la ligne en mémoire > effacer et remplacer (non) > passer au Module SITES  > ajouter  > **Site** : Type : Site d'inventaire / Nom : Secteur 1 > **Inclus dans** : Type : Site d'inventaire / Nom : RNR Landes de Monteneuf > **Espace protégé** : LANDES DE MONTENEUF > **Commune** : Monteneuf >

importer la ligne en mémoire  > valider 

Pour la mare 1 du Secteur 1 : Module CARTOGRAPHIE  > tracer un petit polygone dans l'emprise du Secteur 1  > mettre la ligne en mémoire > effacer et remplacer (non) > passer au Module SITES  > ajouter  > **Site** : Type : Site d'inventaire / Nom : Mare 1 du Secteur 1 > **Inclus dans** : Type : Site d'inventaire / Nom : Secteur 1 > **Espace protégé** : LANDES DE MONTENEUF > **Commune** : Monteneuf > importer la ligne en mémoire  > valider 

Visualiser l'arborescence ainsi créée :  >  (car on part du site le plus petit) > sortir 

4/ Créer des relevés

Créer les relevés suivants :

- Relevés ponctuels d'effectifs ou de présence
- Inventaire initial de la flore vasculaire de la RNR (2014)

Module RELEVES  > ajouter  > Catégorie : Relevés d'inventaire > taper le nom > valider 

5/ Créer des observations

Créer les observations correspondant aux notes de terrain suivantes :

- (1) 22/04/2015, 10h à 12h, Nicole et Anaël : une Alouette des champs transporte une brindille dans le Secteur 1 => les coordonnées du site peuvent suffire
- (2) 09/06/2016, 15h à 18h, Nicole, Anaël et Karen : un accouplement de Calopteryx Virgo au niveau de la mare 1 du Secteur 1, très bonnes conditions météo (ciel bleu, vent nul) => les coordonnées du site peuvent suffire
- (3) 18/08/2016, 14h, Anaël : un lézard vert est à découvert, statique, au soleil sur le « menhir couché » du Secteur 1 => ici on peut pointer l'observation sur le menhir imaginaire et importer les coordonnées de ce point
- (4) 02/10/2016, 16h, Karen : un vol de Grive mauvis au-dessus de la RNR, observé depuis le Centre Les Landes, direction sud/ouest, non dénombré => les coordonnées du site peuvent suffire (ici la RNR)

(1) (2) (4) Module OBSERVATIONS  > ajouter  > saisir / sélectionner les différents critères dont le site > importer les coordonnées du site  > valider 

(3) Module OBSERVATIONS  > ajouter  > saisir / sélectionner les différents critères dont le site > Module SITES  > pointer le menhir imaginaire > importer les coordonnées du point  > valider 

NB : formats acceptés :







- Date :
 - o AAAA
 - o MM/AAAA
 - o JJ/MM/AAAA
 - o JJ/MM/AAAA - JJ/MM/AAAA (pour les périodes)
- Heure :
 - o 10:00
 - o 10:00 à 12:00
- Effectif :
 - o Nombre entier ou décimal (pour les moyennes) : 0 / 1 / 2,5
 - o Fourchette de nombres entiers ou décimaux : 3-4 / 2,8-3,2
 - o Caractère « x » pour signaler les effectifs non dénombrés




6/ Extraire des observations

Réaliser les extraits suivants (trop peu de données acquises pour tester tous les types d'extraits) :

- (1) La liste des taxons de la base
- (2) Les observations réalisées en 2016










NB : de nombreux extraits et combinaisons d'extraits sont possibles en fonction de la question posée :

- Liste des taxons : icone dédiée 
- Les dernières observations saisies ou modifiées : fonction « Mes observations du jour (MJOUR) »
- Des observations répondant à plusieurs critères concernant un seul taxon et un seul site (ex : Anaël + 2016 + Alouette + Secteur 1) : fonction « Saisir critères puis extraire (CRIT) » > saisir / sélectionner les différents critères > valider 
- Des observations répondant à plusieurs critères concernant plusieurs taxons et/ou plusieurs sites :
 - o Plusieurs taxons (ex : Anaël + 2016 + Alouette + Grive + Secteur 1) : Module TAXONS 
> accéder à la liste à cocher  > cocher les taxons désirés > marquer les taxons cochés  > sortir  > fonction « Extraire directement tous les taxons marqués (MARQ) » > Module OBSERVATIONS  > fonction « Saisir critères puis extraire (CRIT) » > saisir / sélectionner les différents critères > valider 
 - o Plusieurs sites (ex : Anaël + 2016 + Alouette + Secteur 1 + Secteur 2) : Module SITES  > accéder à la liste à cocher  > cocher les sites désirés > marquer les sites cochés 

> sortir  > fonction « Extraire directement tous les sites marqués (MARQ) » > Module OBSERVATIONS  > fonction « Saisir critères puis extraire (CRIT) » > saisir / sélectionner les différents critères > valider 



- o Plusieurs taxons et plusieurs sites (ex : Anaël + 2016 + Alouette + Grive + Secteur 1 + Secteur 2) : Module TAXONS  > accéder à la liste à cocher  > cocher les taxons désirés > marquer les taxons cochés  > sortir  > fonction « Extraire directement tous les taxons marqués (MARQ) » > Module SITES  > accéder à la liste à cocher  > cocher les sites désirés > marquer les sites cochés  > sortir  > fonction « Extraire directement tous les sites marqués (MARQ) » > Module OBSERVATIONS  > fonction « Saisir critères puis extraire (CRIT) » > saisir / sélectionner les différents critères > valider 



- Extraire des données sur une partie d'un ou plusieurs sites :

- o Une partie d'un site : Module CARTOGRAPHIE  > tracer la zone visée  > mettre la ligne en mémoire > effacer et remplacer (non) > Module OBSERVATIONS  > fonction « Saisir critères puis extraire (CRIT) » > Spatial : observations intérieures à la (multi-)ligne en mémoire > saisir / sélectionner les différents critères > valider 
- o Une partie d'un site et une partie d'un autre : Module CARTOGRAPHIE  > tracer la première zone visée  > mettre la ligne en mémoire > effacer et remplacer (non) > tracer la seconde zone  > mettre la ligne en mémoire > ajouter cette nouvelle ligne (oui) > Module OBSERVATIONS  > fonction « Saisir critères puis extraire (CRIT) » > Spatial : observations intérieures à la (multi-)ligne en mémoire > saisir / sélectionner les différents critères > valider 





7/ Adapter la base à ses besoins

* Créer un nouveau champ : « Longueur de la queue » pour le supergroupe Oiseaux :

Module OBSERVATIONS  > se placer sur le bloc des champs liés aux mesures biométriques > Module LISTE DE CHOIX ET PSEUDO-CHAMPS  > copier le modèle de nom informatique à suivre : BIOM_OIS_XXX

> ajouter  > coller le modèle de nom informatique et remplacer les xxx : BIOM_OIS_LONG_QUEUE > choisir le nom visible : Longueur queue ... (« ... » car les réponses attendues sont numériques) > valider 

* Créer un nouveau choix pour un champ existant : ajouter le choix mixte « Repos, utilisation des reposoirs / Recherche de nourriture, chasse » au champ « Comportement » pour le supergroupe Oiseaux :





Module OBSERVATIONS  > se placer sur le champ comportement > Module LISTE DE CHOIX ET PSEUDO-CHAMPS  > ajouter  > Choix dans la liste : Repos, utilisation des reposoirs / Recherche de nourriture, chasse > Ordre séquentiel : 17 choisir > valider 

NB : le suffixe accompagnant le nom visible détermine le type de réponses attendu :





- Numérique « ... »
- Textuelle « : »
- Liste de choix « ? » => pour construire la liste de choix : Paramètres : #LISTE=choix1\$ choix2\$choix3#

8/ Exporter des données

* Exporter des données de la base pour analyse fine ou cartographie :

Module OBSERVATIONS  > vue en tableau  > rajouter des colonnes aux 23 colonnes par défaut (pour tester la manip, non pertinent ici avec 4 observations)  > lancer l'exportation  > Type d'exportation : presse-papier > coller dans un fichier Excel


* Exporter des données de la base pour modification en masse, transmission à un partenaire équipé de SERENA ou obtention d'un modèle de tableau pour la saisie externe des observations :

Module OBSERVATIONS  > vue en tableau  > rajouter des colonnes aux 23 colonnes par défaut (pour tester de nouveau la manip)  > lancer l'exportation d'un modèle de tableau d'import  > des messages d'alerte apparaissent selon que le modèle vise la création ou la modification de données mais le résultat est le même > le tableau est stocké directement dans le presse-papier > à coller dans un fichier Excel


9/ Importer des données

Saisir les données de votre choix dans le tableur fourni puis importer le tableur :

Dans le tableur :

- Vérifier que les informations vont pouvoir être lues par SERENA (ex : sources écrites de la même manière)
- Vérifier que les champs obligatoires nécessitant d'être remplis le sont
- Analyser les taxons : faire apparaître les colonnes cachées > copier les noms latins saisis > retourner dans SERENA > Module OUTILS  > fonction « Trouve-taxon » > retourner dans le tableur > coller le résultat de l'analyse dans les colonnes rendues visibles > vérifier que le degré de similitude (100%) > conserver uniquement la dernière colonne avec les noms à soumettre à SERENA (supprimer les 9 premières colonnes générées par l'analyse)
- Enregistrer le tableur

Dans SERENA :

Module OUTILS  > fonction « Importer des données » > le journal signale les erreurs à corriger > corriger dans le tableur > enregistrer > essayer de nouveau l'import jusqu'à ce que les erreurs ne soient plus bloquantes

NB : il existe 13 champs obligatoires :

- OBSE_ID : identifiant de l'enregistrement => cette colonne doit rester vide en cas de création
- OBSE_TAXO_ID : identifiant du taxon => à remplir
- OBSE_RELV_ID : identifiant du relevé => à remplir
- OBSE_SITE_ID : identifiant du site => à remplir
- OBSE_HABI_ID : identifiant de l'habitat => doit apparaître mais peut rester vide
- OBSE_OBSE_ID : identifiant de l'observateur => à remplir
- OBSE_DETM_ID : identifiant du validateur/déterminateur => doit apparaître mais peut rester vide
- OBSE_NOM : utile pour retracer les données fournies par des partenaires, y mettre l'identifiant de l'observation dans leur base => doit apparaître mais peut rester vide
- OBSE_DATE : date de chaque enregistrement (mettre # à la fin de la date pour forcer SERENA à accepter le format)
- OBSE_NOMBRE : nombre de taxons observés
- OBSE_PCOLE_CHOI : type de protocole
- OBSE_CONFID_CHOI : confidentialité de la donnée (confidentiel ou public)
- OBSE_VALIDAT_CHOI : statut de validation